

論文 / 著書情報
Article / Book Information

題目(和文)	高精度ゲノム解析手法の確立による大腸菌O157の大規模比較研究
Title(English)	
著者(和文)	吉村大
Author(English)	Dai Yoshimura
出典(和文)	学位:博士(理学), 学位授与機関:東京工業大学, 報告番号:甲第11224号, 授与年月日:2019年6月30日, 学位の種別:課程博士, 審査員:伊藤 武彦,和地 正明,立花 和則,二階堂 雅人,山田 拓司
Citation(English)	Degree:Doctor (Science), Conferring organization: Tokyo Institute of Technology, Report number:甲第11224号, Conferred date:2019/6/30, Degree Type:Course doctor, Examiner:,,,,,
学位種別(和文)	博士論文
Category(English)	Doctoral Thesis
種別(和文)	要約
Type(English)	Outline

(博士課程)
Doctoral Program

論文要約

THESIS ABSTRACT

系・コース： Department of, Graduate major in	生命理工学 生命理工学	系 コース	申請学位 (専攻分野)： Academic Degree Requested	博士 Doctor of	(理学)
学籍番号： Student ID Number			指導教員 (主)： Academic Supervisor(main)	伊藤武彦	
学生氏名： Student's Name	吉村 大		指導教員 (副)： Academic Supervisor(sub)		

論文題目 Thesis Title	高精度ゲノム解析手法の確立による 大腸菌 O157 の大規模比較研究
----------------------	---------------------------------------

概要
Thesis Abstract

細菌は種内の多様性が豊かであり、近年では全ゲノム配列情報を用いた菌株間比較解析が盛んに行われている。一塩基多型の検出やゲノム配列の再構築はそのような解析において普遍的で基盤となる工程であるが、それらの工程で用いられるツールの性能については十分な評価が行われていなかった。本研究ではそれらの既存ツールの評価や高性能な新規ツールの開発により、一塩基多型の検出やゲノム配列の再構築を高性能に実施する方法を確立した。またそれらを国内のヒトやウシから分離された 2500 株以上の腸管出血性大腸菌 O157 の比較解析に適用し、国内の株の系統関係や、系統と分離地域・宿主・毒性との関連、強毒化因子、遺伝的多様性などを明らかにした。